

## Meningokokken-Netz

Vergleichende Genomanalyse zur Erfassung, Bewertung und Verhütung von Meningokokken-Erkrankungen

**Zum 31. März 2012 haben wir die Meningokokken-Kohorte geschlossen. Mit viel Unterstützung konnten wir weit über 300 Fälle analysieren. Wir möchten uns bei allen Kolleginnen und Kollegen aus ganz Deutschland für die vertrauensvolle Zusammenarbeit bedanken.**

