

# Anlage

## NGS-Performance-Testung 2025

Teilnahme an der Qualitätssicherungsinitiative des Nationalen Netzwerks Genomische Medizin Lungenkrebs (nNGM)

Teilnehmer: **Institut für klinische Pathologie, Freiburg**

### Untersuchungsmaterial:

Jeder Standort sollte eine pseudonymisierte Liste der diagnostisch im nNGM-Kontext untersuchten Lungenkrebsfälle ( $n \geq 30$ ) übermitteln. Aus diesen wurden 5 Fälle nach dem Zufallsprinzip zur Gegentestung durch die Lead-Institute ausgewählt. Die eingesandte Tumor-DNA wurde mittels nNGM-Panel v3 gegengetestet.

### Bewertungskriterien:

- Korrekte Identifizierung der Mutationen in EGFR, BRAF, ERBB2 und KRAS Genen sowie MET Exon 14 Skipping
- Korrekte Annotation der Mutationen nach HGVS
- Nicht bewertet wurden Mutationen mit einer Allelfrequenz  $< 5\%$ , Varianten unbekannter Signifikanz (VUS) sowie Polymorphismen

Der Teilnehmer hat folgende Methoden verwendet:

- DNA-Extraktion: **Promega Maxwell RSC 48**
- Technologieplattform: **Illumina MiSeq / NextSeq**

Pro analysierte Probe konnten maximal 10 Punkte erreicht werden (Gesamtpunktzahl: 50 Punkte). Für eine erfolgreiche Teilnahme waren mindestens 90% erforderlich.

Nach den oben genannten Kriterien ergab sich für die Qualität der Mutationstestung und somit für die Teilnahme an der NGS-Performance-Testung ein Gesamtergebnis von:

**50 Punkten**



**nNGM**

Nationales Netzwerk  
Genomische Medizin  
Lungenkrebs

Geschäftsstelle nNGM  
Universitätsklinikum Köln  
Kerpener Straße 62  
50937 Köln

Telefon: 0221 478 96532  
Fax: 0221 478 3531  
E-Mail: [info@nngm.de](mailto:info@nngm.de)